



*01:18, 01:42 <sup>7</sup>	1												
*01:19, 01:43 <sup>8</sup>	1												
*01:20	1				5		7						
*01:21													
*01:22	1							8		10			
*01:23	1												
*01:24		2											
*01:25	1												
*01:26	1												
*01:27, 01:45 <sup>9</sup>	1												
*01:28	1												
*01:29, 01:33 <sup>10</sup>	1												
*01:30	1												
*01:31, 01:44 <sup>11</sup>	1												
*01:32, 01:40 <sup>12</sup>	1												
*01:34												11	
*01:35	1							8		10			
*01:36													
*01:37N						6							
*01:39	1											11	
*03:58, 04:37		2											
*03:59													
*03:86, 03:94, 03:99	1												
*03:87, 05:09, 05:17, 07:130, 08:15, 16:27, B*15:33													12
*06:23								8					
*06:43						6							
*07:37, B*07:77				4									
*15:37								8		10			
A*01:24													
B*54:18													
HLA-C allele <sup>4</sup>													
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	

INTERPRETATION TABLE												
HLA-C*01 SSP subtyping												
Amplification patterns of the C*01:02 to C*01:45 alleles												
Well <sup>13</sup>												
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	
155	120	115	130	75	195	100	110	125	255	120	110	Length of spec.
	240	230	255		260	275		245		235	250	PCR product(s)
			295		345							
800	1070	800	1070	800	800	1070	800	800	1070	1070	1070	Length of int.
												pos. control <sup>1</sup>
89	89	89	89	806	89	368	530	89	368	368	74	5'-primer(s) <sup>2</sup>
5'-gAA <sup>3'</sup>	5'-gAA <sup>3'</sup>	5'-gAA <sup>3'</sup>	5'-gAA <sup>3'</sup>	5'-ggA <sup>3'</sup>	5'-gAA <sup>3'</sup>	5'-gTg <sup>3'</sup>		5'-ggT <sup>3'</sup>	5'-gAA <sup>3'</sup>	5'-gTg <sup>3'</sup>	5'-gTg <sup>3'</sup>	5'-C <sup>3'</sup>
				818	368			368		3 <sup>rd</sup> I	463	
				5'-ggC <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>			5'-gTg <sup>3'</sup>		5'-Tgt <sup>3'</sup>	5'-TgA <sup>3'</sup>	
					453							
					5'-AAT <sup>3'</sup>							
201	170	164	176	846	244	427	601	172	583	560	142	3'-primer(s) <sup>3</sup>
5'-CTC <sup>3'</sup>	5'-Cgg <sup>3'</sup>	5'-gCA <sup>3'</sup>	5'-ACT <sup>3'</sup>	5'-CAC <sup>3'</sup>	5'-CTg <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-CTC <sup>3'</sup>	5'-CAT <sup>3'</sup>	5'-gTg <sup>3'</sup>	5'-ACA <sup>3'</sup>	5'-TgA <sup>3'</sup>	
	289	278	301		3 <sup>rd</sup> I	601		573		671	3 <sup>rd</sup> I	
	5'-AgC <sup>3'</sup>	5'-ggT <sup>3'</sup>	5'-gCA <sup>3'</sup>		5'-ATg <sup>3'</sup>	5'-CTg <sup>3'</sup>		5'-AgA <sup>3'</sup>		5'-ggA <sup>3'</sup>	5'-ATg <sup>3'</sup>	
			341									
			5'-CgT <sup>3'</sup>									
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.
												HLA-C allele <sup>4</sup>
13												*01:02:01-01:02:13
13												*01:03
13												*01:04
13												*01:05
13												*01:06, 01:38 <sup>5</sup>
13												*01:07
13												*01:08
13												*01:09
13												*01:10
13												*01:11
13												*01:12
13												*01:13
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.
155	120	115	130	75	195	100	110	125	255	120	110	Length of spec.
	240	230	255		260	275		245		235	250	PCR product(s)
			295		345							
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.
13												*01:14
13												*01:15
13												*01:16
13	14											*01:17, 01:41 <sup>6</sup>

